 **于吉军**

电话: 15701571374 丨邮箱: [jijunyuedu@outlook.com](mailto:jijunyuedu@outlook.com)

个人主页: <https://yujijun.github.io/>

单位：军事科学院军事医学研究院毒物药物研究所  
 年龄: 26岁丨性别: 男丨籍贯: 山西太原丨政治面貌: 中共党员

**教育经历**

**军事科学院军事医学研究院毒物药物研究所 硕博连读 免疫学/ 生物信息学（导师：冯健男研究员）** 2015.08-至今

**Harvard Medical School Visiting Scholar 生物信息学（指导老师：刘小乐教授）** 2019.02 - 2020.02

**同济大学 Training 生物信息学（进修）** 2018.07 - 2018.09

**西安交通大学 本科 电子科学与技术** 2011.09 - 2015.06

**研究经历**

**1. Establishment of Cancer Peptides Database and Analysis Pipelines (Cancer Neoantigen Research) 2019.05 -** 至今

**独立研究-项目负责人**

博士期间，围绕癌症抗原肽数据库和分析算法开展工作，主要研究癌症抗原肽相关性质和新抗原(neoantigen)预测算法，以期提升以癌症抗原肽为基础的抗癌药物的预测精度，助力抗癌疫苗药物的研发。目前，共收集了上百万条癌症抗原肽，且将数据和相应分析工具整合到了数据库中，建立了泛癌症抗原肽数据平台（<http://cnrd.bio-it.cn/#/home>）.这部分结果已经以**第一发明人申请了两个软件著作权**(肿瘤抗原数据检索系统v1.0: 2021R11L1090881；肿瘤抗原数据分析系统v1.0:2021R11L1080854)；**文章也在整理投稿阶段**。

之后，**建立了肿瘤新抗原预测云平台**（华为云），已能够成功进行癌症新抗原预测；同时，正在进行算法改进工作，以期进一步提升肿瘤新抗原预测精度和效率。

**2. Study on the Pathogenesis of Behcet's Disease (Bulk-seq and ScRNA-seq analysis) 2019.10** - 至今

Co-worker 合作单位:北京协和医学院

本项目与**北京协和医院****刘德培院士**和**风湿科郑文洁教授**课题组进行合作，在项目中主要承担PBMC bulk-seq 和Monocyte scRNA-seq 分析任务，致力于发现与白塞病相关的疾病亚型、标志基因、细胞演化方向等。通过生物信息学相关分析，发现了新的白塞病特异性亚型和病理学相关通路，分析结论已得到相关实验验证；图片整理和文章撰写工作也已基本完成，相关结果正在整理投稿到Annals of the Rheumatic Disease(ARD) [IF:16.102]杂志。

**3. A Study of Immune Cells in the Brain Associated with Depression (ScRNA-seq analysis) 2020.04 -** 至今

Co-worker 合作单位:军事认知与脑科学研究所

本项目与**军事科学院军事认知与脑科学研究所张纪岩教授**课题组合作，在项目中主要承担脑部immune-related cells scRNA-seq分析任务，旨在通过在单细胞层面对脑部免疫细胞进行分析，探索影响记忆和抑郁的脑部免疫细胞群落和相关生物学通路。目前第一阶段的测序和单细胞分析工作已经完成，发现一类对记忆和抑郁的有重要影响作用的免疫细胞亚型，结论已得到部分实验印证；